
ФЕДЕРАЛЬНОЕ АГЕНТСТВО
ПО ТЕХНИЧЕСКОМУ РЕГУЛИРОВАНИЮ И МЕТРОЛОГИИ



НАЦИОНАЛЬНЫЙ
СТАНДАРТ
РОССИЙСКОЙ
ФЕДЕРАЦИИ

ГОСТ Р
55576—
2013

КОРМА И КОРМОВЫЕ ДОБАВКИ

Метод качественного определения
регуляторных последовательностей
в геноме сои и кукурузы

Издание официальное



Москва
Стандартинформ
2020

Предисловие

1 РАЗРАБОТАН Федеральным государственным бюджетным учреждением «Всероссийский государственный центр качества и стандартизации лекарственных средств для животных и кормов» (ФГБУ «ВГНКИ»)

2 ВНЕСЕН Техническим комитетом по стандартизации ТК 454 «Охрана жизни и здоровья животных и ветеринарно-санитарная безопасность продуктов животного происхождения и кормов»

3 УТВЕРЖДЕН И ВВЕДЕН В ДЕЙСТВИЕ Приказом Федерального агентства по техническому регулированию и метрологии от 6 сентября 2013 г. № 851-ст

4 ВВЕДЕН ВПЕРВЫЕ

5 ИЗДАНИЕ (февраль 2020 г.) с Изменением № 1 (ИУС 1—2017)

Правила применения настоящего стандарта установлены в статье 26 Федерального закона от 29 июня 2015 г. № 162-ФЗ «О стандартизации в Российской Федерации». Информация об изменениях к настоящему стандарту публикуется в ежегодном (по состоянию на 1 января текущего года) информационном указателе «Национальные стандарты», а официальный текст изменений и поправок — в ежемесячном информационном указателе «Национальные стандарты». В случае пересмотра (замены) или отмены настоящего стандарта соответствующее уведомление будет опубликовано в ближайшем выпуске ежемесячного информационного указателя «Национальные стандарты». Соответствующая информация, уведомление и тексты размещаются также в информационной системе общего пользования — на официальном сайте Федерального агентства по техническому регулированию и метрологии в сети Интернет (www.gost.ru)

© Стандартиформ, оформление, 2014, 2020

Настоящий стандарт не может быть полностью или частично воспроизведен, тиражирован и распространен в качестве официального издания без разрешения Федерального агентства по техническому регулированию и метрологии

КОРМА И КОРМОВЫЕ ДОБАВКИ

Метод качественного определения регуляторных последовательностей
в геноме сои и кукурузы

Feed and feed additives.

Method for determining quality of regulatory sequences in the genomes of soybean and corn

Дата введения — 2015—07—01

1 Область применения

Настоящий стандарт распространяется на корма, кормовые добавки и сырье для их производства и устанавливает скрининговый метод качественного определения регуляторных последовательностей в геноме генетически модифицированной сои (далее — ГМ сои) и генетически модифицированной кукурузы (далее — ГМ кукурузы) методом полимеразной цепной реакции (далее — ПЦР) с гибридизационно-флуоресцентной детекцией в режиме реального времени (*Real Time PCR*).

Раздел 1 (Измененная редакция, Изм. № 1)

2 Нормативные ссылки

В настоящем стандарте использованы нормативные ссылки на следующие стандарты:

ГОСТ 12.1.004 Система стандартов безопасности труда. Пожарная безопасность. Общие требования

ГОСТ 12.1.005 Система стандартов безопасности труда. Общие санитарно-гигиенические требования к воздуху рабочей зоны

ГОСТ 12.1.007 Система стандартов безопасности труда. Вредные вещества. Классификация и общие требования безопасности

ГОСТ 12.1.019 Система стандартов безопасности труда. Электробезопасность. Общие требования и номенклатура видов защиты

ГОСТ 12.4.009 Система стандартов безопасности труда. Пожарная техника для защиты объектов. Основные виды. Размещение и обслуживание

ГОСТ 12.4.021 Система стандартов безопасности труда. Системы вентиляционные. Общие требования

ГОСТ 5962 Спирт этиловый ректификованный из пищевого сырья. Технические условия

ГОСТ 31719 Продукты пищевые и корма. Экспресс-метод определения сырьевого состава (молекулярный)

ГОСТ ISO 6497 Корма для животных. Отбор проб

ГОСТ ISO 7218 Микробиология пищевых продуктов и кормов для животных. Общие требования и рекомендации по микробиологическим исследованиям

ГОСТ ISO/IEC 17025 Общие требования к компетентности испытательных и калибровочных лабораторий

ГОСТ Р 51848 Продукция комбикормовая. Термины и определения

ГОСТ Р 52173 Сырье и продукты пищевые. Метод идентификации генетически модифицированных источников (ГМИ) растительного происхождения

Примечание — При пользовании настоящим стандартом целесообразно проверить действие ссылочных стандартов в информационной системе общего пользования — на официальном сайте Федерального агентства по техническому регулированию и метрологии в сети Интернет или по ежегодному информационному указанию

телю «Национальные стандарты», который опубликован по состоянию на 1 января текущего года, и по выпускам ежемесячного информационного указателя «Национальные стандарты» за текущий год. Если заменен ссылочный стандарт, на который дана недатированная ссылка, то рекомендуется использовать действующую версию этого стандарта с учетом всех внесенных в данную версию изменений. Если заменен ссылочный стандарт, на который дана датированная ссылка, то рекомендуется использовать версию этого стандарта с указанным выше годом утверждения (принятия). Если после утверждения настоящего стандарта в ссылочный стандарт, на который дана датированная ссылка, внесено изменение, затрагивающее положение, на которое дана ссылка, то это положение рекомендуется применять без учета данного изменения. Если ссылочный стандарт отменен без замены, то положение, в котором дана ссылка на него, рекомендуется применять в части, не затрагивающей эту ссылку.

3 Термины и определения

3.1 В настоящем стандарте приведены термины по ГОСТ Р 51848, а также следующие термины с соответствующими определениями:

3.1.1

генетически модифицированный организм: Организм или несколько организмов, любые неклеточные, одноклеточные или многоклеточные образования, способные к воспроизводству или передаче наследственного генетического материала, отличные от природных организмов, полученные с применением методов генной инженерии и содержащие генно-инженерный материал, в том числе гены, их фрагменты или комбинацию генов.
[ГОСТ Р 52173—2003, пункт 3.2]

3.1.2 **генетически модифицированные источники;** ГМИ: Корма, кормовые добавки и сырье для их производства, полученные из генетически модифицированных организмов, используемые в натуральном или переработанном виде в пищу животным.

3.1.3

полимеразная цепная реакция; ПЦР: Циклический ферментативный процесс, результатом которого является получение многочисленных копий определенного участка молекулы ДНК.
[ГОСТ 31719, пункт 3.1]

3.1.4

полимеразная цепная реакция в режиме реального времени: Полимеразная цепная реакция, проводимая по специальной технологии, которая позволяет регистрировать накопление ПЦР-продуктов в процессе амплификации.
[ГОСТ 31719, пункт 3.2]

3.1.5

амплификация: Образование дополнительных копий хромосомных последовательностей дезоксирибонуклеиновой кислоты ДНК.
[ГОСТ 31719, пункт 3.3]

3.1.6 **промотор:** Последовательность нуклеотидов в молекуле ДНК, ответственная за начало транскрипции.

3.1.7 **терминатор:** Последовательность нуклеотидов в молекуле ДНК, ответственная за прекращение транскрипции.

3.1.8 **рекомбинантная ДНК:** Молекула ДНК, полученная в результате объединения *in vitro* чужеродных (в природе никогда вместе не существующих) фрагментов ДНК с использованием методов генной инженерии.

3.1.9 **праймеры:** Искусственно синтезируемые короткие последовательности нуклеотидов, комплементарные определенному участку искомой ДНК, используемые в полимеразной цепной реакции.

3.1.10 **генетическая конструкция:** Генно-инженерная последовательность ДНК, вносимая в геном растения, представляющая один или несколько генов, маркерные гены и регуляторные последовательности (промотор и терминатор).

3.2 В настоящем стандарте использованы следующие сокращения:

НК — нуклеиновые кислоты;

ОКО — отрицательный контрольный образец;

ОК — отрицательный контроль.

4 Условия выполнения испытаний и требования безопасности

4.1 Условия выполнения испытаний

4.1.1 Общие требования к помещениям — по ГОСТ ISO 7218, [1] и в соответствии с приложением А.

4.1.2 Требования к персоналу — по ГОСТ ISO 7218, ГОСТ ISO/IEC 17025.

4.1.2.1 Персонал должен быть обучен работе методом ПЦР и ознакомлен с правилами проведения работ в ПЦР-лабораториях.

4.1.2.2 Персонал должен быть обеспечен лабораторной одеждой для каждой зоны ПЦР-лаборатории. Первичную обработку и подготовку проб проводят в специально предназначенной для этого лабораторной одежде, используя новые перчатки для каждой пробы (исключают использование перчаток, обсыпанных пудрой, в том числе кукурузным крахмалом).

4.2 Требования безопасности

4.2.1 При выполнении всех работ необходимо соблюдать требования техники безопасности при работе с химическими реактивами в соответствии с ГОСТ 12.1.007.

4.2.2 Помещение должно быть оборудовано общей приточно-вытяжной вентиляцией по ГОСТ 12.4.021. Содержание вредных веществ в воздухе рабочей зоны не должно превышать норм, установленных ГОСТ 12.1.005.

4.2.3 При работе с электроустановками требования к безопасности должны соответствовать ГОСТ 12.1.019.

4.2.4 Помещение лаборатории должно соответствовать требованиям пожарной безопасности по ГОСТ 12.1.004 и быть оснащено средствами пожаротушения по ГОСТ 12.4.009.

5 Оборудование, материалы, реагенты

5.1 Требования к оборудованию — по ГОСТ ISO/IEC 17025.

5.2 При проведении испытаний применяют оборудование и материалы по ГОСТ 31719, а также следующие реагенты:

- комплект реагентов для выделения ДНК¹⁾:

- буфер для лизирующего реагента, содержащий гуанидин хлорид, 1Мм Трис-НСl, 12Мм ЭДТА;

- лизирующий реагент: протеиназа К;

- раствор для отмывки 1: гуанидин тиоционат, 1Мм Трис-НСl, 12Мм ЭДТА;

- раствор для отмывки 2: 50%-ный этиловый спирт;

- сорбент универсальный: диоксид кремния с примесями оксидов алюминия, кальция, железа, натрия и калия, НСl;

- буфер для элюции ДНК: ТЕ-буфер с рН 8,0 ед.рН;

- ПЦР-комплект для выявления ДНК генетически модифицированной сои:

- ПЦР-смесь-1: смесь специфических праймеров и флуоресцентных зондов согласно таблице, 0,4—0,6 мМ дНТФ, кратность смеси 2,5х;

- ПЦР-буфер: 0,3М Трис-НСl (рН 8,3 ед.рН), 30—180 мМ AmSO₄, 10—25 мМ MgSO₄, глицерин;

- полимераза (*TaqF*): полимераза (*TaqF*) химически модифицированная для обеспечения горячего старта;

- положительный контрольный образец (ПКО ГМ соя), состоящий из участков последовательности регуляторных конструкций и содержащий места посадки праймеров и флуоресцентных зондов ПЦР-смеси-1. Положительный контроль ПЦР должен давать положительный сигнал по всем используемым каналам флуоресцентной детекции;

- отрицательный контрольный образец (ОКО): ТЕ-буфер для элюции ДНК. Отрицательный контроль экстракции не должен давать положительный сигнал по всем используемым каналам флуоресцентной детекции;

- ПЦР-комплект для выявления ДНК генетически модифицированной кукурузы:

- ПЦР-смесь-1: смесь специфических праймеров и флуоресцентных зондов согласно таблице, 0,4—0,6 мМ дНТФ, кратность смеси 2,5х;

- ПЦР-буфер: 0,3М Трис-НСl (рН 8,3 ед.рН), 30—180 мМ AmSO₄, 10—25 мМ MgSO₄, глицерин;

¹⁾ Данный комплект реагентов является рекомендуемым и приведен для удобства пользователей настоящего стандарта.

- полимеразы (*TaqF*): полимеразы (*TaqF*) химически модифицированная для обеспечения горячего старта;
- положительный контрольный образец (ПКО ГМ кукуруза), состоящий из участков последовательности регуляторных конструкций и содержащий места посадки праймеров и флуоресцентных зондов ПЦР-смеси-1. Положительный контроль ПЦР должен давать положительный сигнал по всем используемым каналам флуоресцентной детекции;
- отрицательный контрольный образец (ОКО): ТЕ-буфер для элюции ДНК. Отрицательный контроль экстракции не должен давать положительный сигнал по всем используемым каналам флуоресцентной детекции».

(Измененная редакция, Изм. № 1)

5.3 Допускается использование другого оборудования с метрологическими характеристиками, а также материалов с техническими характеристиками не хуже указанных выше.

6 Сущность метода

Сущность скринингового метода качественного определения регуляторных последовательностей в геноме ГМ сои и ГМ кукурузы методом ПЦР с гибридизационно-флуоресцентной детекцией в режиме реального времени (*Real Time PCR*) заключается в проведении нескольких ПЦР в одной пробирке с использованием специфичных праймеров и зондов, меченных флуоресцентными красителями с целью выявления последовательности ДНК-мишеней, специфичных для ГМИ, и амплификацией эндогенного контроля специфичного для сои или кукурузы.

7 Отбор проб

7.1 При отборе и подготовке проб для испытаний необходимо соблюдать меры, предупреждающие их обсеменение из внешней среды.

7.2 Отобранная проба должна быть репрезентативной.

7.3 Каждую пробу отбирают набором стерильных инструментов (одноразовые или фламбированные, выдержанные в 96%-ном этиловом спирте по ГОСТ 5962 и обожженные в пламени газовой горелки) или стерильной перчаткой с удлиненной крагой.

7.4 Пробы комбикорма для животных и племенной птицы, сухие корма для непродуктивных животных, а также соевую муку-сырье, шрот, концентрат соевого белка и продукты, изготовленные из сои, кукурузы и продукты ее переработки, находящиеся в мешках или небольших насыпях на складе, отбирают по ГОСТ ISO 6497.

7.5 Отбор проб консервированных кормов для непродуктивных животных, расфасованных в жестяную, стеклянную или пластиковую тару

7.5.1 От партии до 500 шт. отбирают 3 % общего количества в партии, но не менее 5 шт.

7.5.2 От партии свыше 500 шт. — 2 % общего количества в партии.

7.6 Отбор проб от партии корма, кормовой добавки или сырья для их производства

7.6.1 Отбор проб от каждой новой партии проводят с использованием одноразовых перчаток.

7.6.2 От испытуемой партии отбирают из различных мест не менее 10 точечных проб массой 200 г в чистый полиэтиленовый пакет и перемешивают, формируя объединенную пробу массой 2 кг.

7.6.2.1 Из объединенной пробы отбирают лабораторную пробу массой 200 г и делят ее на две равные части. Одну часть помещают в чистый герметичный пакет из полиэтилена, печатают и отправляют на испытание, вторую половину лабораторной пробы помещают в чистый сухой флакон с притертой крышкой или герметичный пакет из полиэтилена, печатают и хранят не менее одного месяца.

7.6.3 От каждой партии сухих и консервированных кормов в упаковке производителя на испытание направляют упаковки массой:

- до 200 г — 3 шт.;
- от 200 до 1500 г — 2 шт.;
- от 1,5 до 10 кг — 1 шт.;
- более 10 кг — пробы отбирают в соответствии с 7.5 и 7.6.

7.7 Условия хранения

Лабораторные пробы хранят согласно условиям, указанным производителем. Скоропортящиеся пробы хранят в замороженном состоянии при температуре не выше минус 16 °С.

7.8 Условия транспортирования

Транспортирование осуществляют при температуре, рекомендованной для хранения производителем.

8 Подготовка анализируемой пробы

8.1 Каждую анализируемую пробу подготавливают в одноразовых перчатках.

8.2 Для подготовки анализируемых проб используют ступки и пестики, предварительно обработанные хромовой смесью, и инструменты, выдержанные в 96%-ном этиловом спирте и обожженные в пламени газовой горелки.

8.3 От лабораторной пробы отбирают в ступку 5—10 г сухого гранулированного или консервированного корма. Гранулированный или консервированный корм растирают пестиком до однородного состояния.

8.4 Гомогенат массой от 10 до 30 мг переносят в одноразовую полипропиленовую микропробирку вместимостью 1,5 см³ и направляют для выделения ДНК.

8.5 После отбора анализируемой пробы рабочую поверхность обрабатывают дезинфицирующим раствором, дистиллированной водой и подвергают ультрафиолетовому излучению в течение 15 мин.

9 Экстракция ДНК

9.1 Экстракцию ДНК проводят по ГОСТ Р 52173 или по 9.2 с использованием комплекта реагентов для выделения ДНК по 5.2.

9.2 Буфер для лизирующего реагента и раствор для отмытки 1 (если они хранились при температуре от 2 °С до 8 °С) прогревают при температуре 64 °С до полного растворения кристаллов.

Пробирки с анализируемыми пробами ставят в штатив и добавляют еще одну пробирку для отрицательного контроля выделения (на каждые 10 проб не менее одного отрицательного контроля выделения). В пробирку отрицательного контроля выделения (ОК) вносят 100 мм³ ОК.

Наконечниками с аэрозольным барьером вносят в каждую пробирку по 400 мм³ буфера для лизирующего реагента и по 17 мм³ лизирующего реагента. Тщательно перемешивают содержимое пробирок на встряхивателе.

Пробирки инкубируют в термостате при температуре 64 °С в течение 1 ч, периодически встряхивая на встряхивателе (пять раз через каждые 10—12 мин).

Нерастворенные частицы анализируемой пробы осаждают центрифугированием при 12—14 тыс. об/мин в течение 5 мин.

Надосадочную жидкость в объеме 200—350 мм³ очень аккуратно (так, чтобы не попали взвешенные частицы и капли жира) отбирают отдельными наконечниками с аэрозольными барьерами и переносят в новые пробирки.

Пробирки с надосадочной жидкостью прогревают в течение 5 мин в термостате при температуре 64 °С, перемешивают и центрифугируют в течение 5 с при 5 тыс. об/мин на микроцентрифуге для сброса капель с крышки пробирки.

В каждую пробирку отдельным наконечником добавляют по 25 мм³ сорбента, предварительно ресуспендированного на встряхивателе. Перемешивают на встряхивателе и инкубируют при комнатной температуре в течение 10—15 мин, перемешивая через каждые 2 мин. Сорбент осаждают центрифугированием при 5 тыс. об/мин в течение 30 с. Надосадочную жидкость удаляют, используя вакуумный отсасыватель с колбой-ловушкой и отдельный наконечник для каждой пробы.

В пробирки добавляют по 300 мм³ раствора для отмытки 1. Перемешивают на встряхивателе до полного ресуспендирования сорбента. Сорбент осаждают центрифугированием при 5 тыс. об/мин на микроцентрифуге в течение 30 с. Удаляют надосадочную жидкость, используя вакуумный отсасыватель с колбой-ловушкой и отдельный наконечник для каждой пробы.

Процедуру отмытки повторяют дважды, используя по 500 мм³ раствора для отмытки 2, и центрифугируют в течение 30 с при 10 тыс. об/мин на микроцентрифуге, удаляют надосадочную жидкость полностью.

Пробирки с отмытым сорбентом помещают в термостат при температуре 64 °С на 5—10 мин для подсушивания сорбента. При этом крышки пробирок должны быть открыты.

В пробирки добавляют по 50 мм³ ТЕ-буфера для элюции ДНК и перемешивают на встряхивателе. Помещают в термостат при температуре 64 °С на 5—8 мин и периодически (один раз в минуту) встряхивают на встряхивателе.

Пробирки центрифугируют при 12—16 тыс. об/мин на микроцентрифуге в течение 1 мин.

Надосадочная жидкость содержит очищенную ДНК, которую затем используют для постановки ПЦР и проведения амплификации в соответствии с разделом 10.

10 Постановка ПЦР и проведение амплификации с гибридационно-флюоресцентной детекцией в режиме реального времени (*Real Time PCR*)

10.1 Для выявления ГМ сои и ГМ кукурузы методом *Real Time PCR* используют «ПЦР-комплект» по 5.2.

10.1.1 Постановка ПЦР

Размораживают необходимое количество пробирок с ПЦР-смесью-1 (ГМ соя/ГМ кукуруза). Перемешивают на встряхивателе и сбрасывают капли с помощью кратковременного центрифугирования в течение 1—3 с.

Для проведения одной реакции в пробирку вносят 10 мм³ ПЦР-смеси-1, 5 мм³ ПЦР-буфера и 0,5 мм³ полимеразы (*TaqF*). Смесь перемешивают на встряхивателе, осаждая кратковременным центрифугированием, затем вносят по 15 мм³ смеси в микропробирки вместимостью 0,2 см³. Используя наконечник с аэрозольным барьером, в подготовленные пробирки добавляют по 10 мм³ ДНК испытуемых образцов, избегая попадания универсального сорбента в реакционную смесь.

Ставят контрольные реакции амплификации:

- отрицательный контрольный образец (К-) — вместо ДНК-пробы вносят в пробирку 10 мм³ ТЕ-буфера;
- положительный контрольный образец (К+) — вносят в пробирку 0,01 см³ ПКО ГМ соя/ПКО ГМ кукуруза.

Общий объем реакции — 25 мм³, объем ДНК-пробы — 10 мм³.

(Измененная редакция, Изм. № 1)

10.1.2 Проведение амплификации и детекции флюоресцентного сигнала

Программа амплификации:

- денатурация первичная 95 °С — 15 мин;
- циклирование 95 °С — 10 с, 59 °С — 60 с.

Цикл повторяют 40 раз.

Флюоресценцию для определения ГМ сои измеряют при температуре 59 °С на запрограммированных на приборе каналах *FAM/Green*, *JOE/Yellow*, *ROX/Orange*, *Cy5/Red* согласно инструкции по эксплуатации.

Флюоресценцию для определения ГМ кукурузы измеряют при температуре 59 °С на запрограммированных на приборе каналах *FAM/Green*, *JOE/Yellow*, *ROX/Orange* прибора согласно инструкции по эксплуатации.

10.2 Анализ результатов амплификации

10.2.1 Режим анализа результатов амплификации приведен в таблице 1.

Таблица 1

Программа	<i>FAM/Green</i>			<i>JOE/Yellow</i>			<i>ROX/Orange</i>			<i>Cy5/Red</i>		
	Корректировка уклона	Устранение выбросов	Порог	Корректировка уклона	Устранение выбросов	Порог	Корректировка уклона	Устранение	Порог	Корректировка уклона	Устранение выбросов	Порог
ГМ соя	35S			Эндогенный контроль соя			NOS			FMV		
	+	10 %	0,05	+	10 %	0,2	+	10 %	0,05	+	10 %	0,05
ГМ кукуруза	35S			Эндогенный контроль кукуруза			NOS			—		
	+	10 %	0,05	+	10 %	0,05	+	10 %	0,05			
Примечание — На всех каналах, за исключением <i>Cy5/Red</i> , следует исключить циклы до десятого.												

Полученные в ходе испытания данные — кривые накопления флюоресцентного сигнала — анализируют по нескольким каналам детекции с помощью программного обеспечения прибора.

10.2.2 Результаты интерпретируют на основании наличия (или отсутствия) пересечения кривой флюоресценции с установленной на соответствующем уровне пороговой линией на графике зависимости интенсивности флюоресценции от количества циклов, что соответствует значения порогового цикла «Ct».

Учет результатов испытания следует начинать с результатов амплификации ДНК контрольных образцов.

Для положительного контроля амплификации по каналам *FAM/Green*, *JOE/Yellow*, *ROX/Orange* и *Cy5/Red* для ГМ сои и по каналам *FAM/Green*, *JOE/Yellow*, *ROX/Orange* для ГМ кукурузы должны присутствовать значения порогового цикла «Ct».

Для отрицательного контрольного образца и отрицательного контроля амплификации значения порогового цикла «Ct» по всем каналам должны отсутствовать.

В образце обнаружена ДНК сои/кукурузы, если по каналу *JOE/Yellow* для него определено значение порогового цикла «Ct» ≤ 35 . При получении значения «Ct» ≥ 35 для анализируемой пробы требуется повторное испытание данной пробы, начиная с первого этапа анализа (экстракция ДНК). При повторном получении аналогичного результата образец считать не подлежащим анализу из-за низкого содержания в нем ДНК сои/кукурузы.

В образце обнаружен промотор 35S, если по каналу *FAM/Green* для него определено значение порогового цикла «Ct».

В образце обнаружен терминатор *NOS*, если по каналу *ROX/Orange* для него определено значение порогового цикла «Ct».

В образце обнаружен промотор *FMV*, если по каналу *Cy5/Red* для него определено значение порогового цикла «Ct».

10.3 Возможные ошибки

Появление любого значения «Ct» для отрицательного контрольного образца (на любом из каналов) и отрицательного контроля ПЦР (*TE*-буфер) (на любом из каналов) свидетельствует о наличии контаминации реактивов. В этом случае результаты анализа по всем пробам считаются недействительными.

Требуется повторить испытания всех проб, а также предпринять меры по выявлению и ликвидации источника контаминации.

Приложение А
(справочное)

Требования к ПЦР-лаборатории

A.1 Лаборатория должна быть разделена на зоны (отдельные комнаты или помещения) для каждой из стадий ПЦР-диагностики.

A.2 Рабочая зона ПЦР-лаборатории в соответствии с этапами ПЦР-испытания должна включать следующий минимальный набор изолированных помещений:

- приема и регистрации лабораторной пробы;
- первичной обработки лабораторной пробы, подготовки анализируемой пробы (I зона, отдельный ламинар);
- выделения НК из анализируемой пробы (I зона, отдельный ламинар).

Примечание — Помещения, где проводят работы по выделению и амплификации НК, располагают как можно дальше от помещения для детекции и учета результатов ПЦР с целью исключения движения воздушного потока и предотвращения контаминации продуктами амплификации (ампликонов), поскольку в процессе ПЦР фрагменты ДНК накапливаются в огромных количествах и являются идеальными продуктами для реамплификации;

- приготовления реакционных смесей, постановки ПЦР (II зона);
- гибридационно-флуоресцентной детекции и учета результатов испытания методом *Real Time PCR* (III зона).

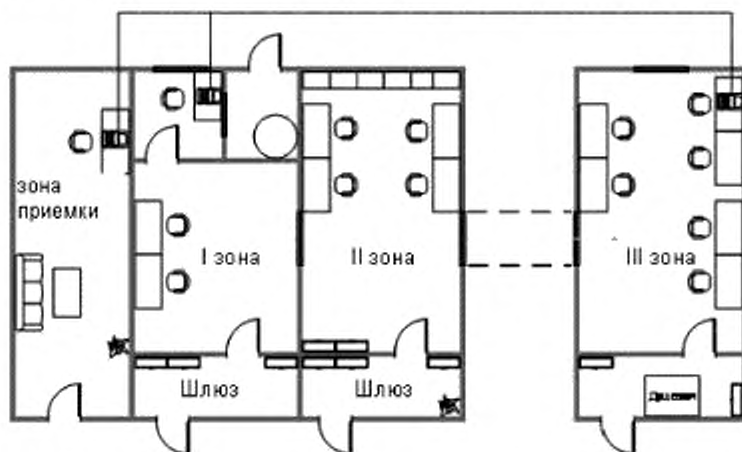


Рисунок А.1 — Схема ПЦР-лаборатории

A.3 Работа в ПЦР-лаборатории должна быть организована в одном направлении: от зон выделения и амплификации НК к зоне детекции и учета результатов ПЦР. В разных зонах лаборатории должны работать разные сотрудники.

A.4 Не допускается выполнение ПЦР-испытаний в помещениях для проведения работ другими лабораторными и генно-инженерными методами (клонирование, секвенирование, рестрикционный анализ).

Все работы по подготовке испытуемых проб и выделению НК проводят в ламинарном боксе II, III классов защиты.

A.5 Каждая рабочая зона должна иметь свой набор лабораторной мебели, оборудования, реагентов, автоматических пипеток, расходных материалов, лабораторной посуды, защитной одежды, обуви, уборочного инвентаря и др. Имущество должно иметь маркировку, использование его в других помещениях или для проведения других работ запрещено.

A.6 Для проведения ПЦР-испытаний необходимо использовать только одноразовые микропробирки и наконечники. Для предотвращения аэрозольного загрязнения автоматических пипеток используют наконечники с антиаэрозольным фильтром. Пробирки и наконечники для автоматических пипеток используют однократно. При переходе от одной пробы к другой обязательно меняют наконечники с целью предотвращения перекрестной контаминации в процессе выделения ДНК, РНК или при раскалывании реакционной смеси.

A.7 Работы по подготовке реакционной смеси для ПЦР, внесению выделенных НК в ПЦР-смесь проводят в ПЦР-боксах, оснащенных ультрафиолетовыми лампами.

Регулярно следует проводить мониторинг помещений, оборудования, рабочих поверхностей, дверных ручек на наличие продуктов амплификации.

Библиография

- [1] МУ 1.3.2569—2009 Организация работы лабораторий, использующих методы амплификации нуклеиновых кислот при работе с материалом, содержащим микроорганизмы I—IV групп патогенности

Ключевые слова: корма, кормовые добавки, генетически модифицированная соя, генетически модифицированная кукуруза, регуляторные последовательности в геноме, полимеразная цепная реакция, скрининговый метод, термины и определения, условия выполнения испытаний и требования безопасности, оборудование, материалы, реагенты, сущность метода, отбор проб, подготовка анализируемой пробы, экстракция ДНК, постановка ПЦР и проведение амплификации с гибридационно-флюоресцентной детекцией в режиме реального времени (*Real Time PCR*)

Редактор переиздания *Ю.А. Расторгуева*
Технические редакторы *В.Н. Прусакова, И.Е. Черепкова*
Корректор *Е.И. Рычкова*
Компьютерная верстка *Г.В. Струковой*

Сдано в набор 28.02.2020. Подписано в печать 28.04.2020. Формат 60 × 84¹/₈. Гарнитура Ариал.
Усл. печ. л. 1,40. Уч.-изд. л. 1,20.

Подготовлено на основе электронной версии, предоставленной разработчиком стандарта

ИД «Юриспруденция», 115419, Москва, ул. Орджоникидзе, 11.
www.jurisizdat.ru y-book@mail.ru

Создано в единичном исполнении во ФГУП «СТАНДАРТИНФОРМ»
для комплектования Федерального информационного фонда стандартов,
117418 Москва, Нахимовский пр-т, д. 31, к. 2.
www.gostinfo.ru info@gostinfo.ru

Изменение № 1 ГОСТ Р 55576—2013 Корма и кормовые добавки. Метод качественного определения регуляторных последовательностей в геноме сои и кукурузы

Утверждено и введено в действие Приказом Федерального агентства по техническому регулированию и метрологии от 17.10.2016 № 1416-ст

Дата введения — 2017—07—01

Раздел 1. Заменить слова: «генетически-модифицированной» на «генетически модифицированной» (2 раза).

Раздел 2. Заменить ссылки:

«ГОСТ Р ИСО 6497—2011 Корма для животных. Отбор проб» на «ГОСТ ISO 6497—2014 Корма. Отбор проб»;

ГОСТ ISO 7218—2011 на ГОСТ ISO 7218—2015;

исключить ссылку:

«ГОСТ Р 51652—2000 Спирт этиловый ректификованный из пищевого сырья. Технические условия»;

дополнить ссылкой:

«ГОСТ 5962—2013 Спирт этиловый ректификованный из пищевого сырья. Технические условия»;

для ГОСТ Р 52173—2003 заменить слова: «генетически-модифицированных» на «генетически модифицированных».

Пункт 5.2 изложить в новой редакции:

«5.2 При проведении испытаний применяют оборудование и материалы по ГОСТ 31719, а также следующие реагенты:

- комплект реагентов для выделения ДНК*:

буфер для лизирующего реагента, содержащий гуанидин хлорид, 1мМ Трис-НСl, 12мМ ЭДТА;

лизирующий реагент: протеиназа К;

раствор для отмывки 1: гуанидин тиоционат, 1мМ Трис-НСl, 12мМ ЭДТА;

раствор для отмывки 2: 50 %-ный этиловый спирт;

сорбент универсальный: диоксид кремния с примесями оксидов алюминия, кальция, железа, натрия и калия, HCl;

буфер для элюции ДНК: ТЕ-буфер с pH 8,0 ед.рН;

- ПЦР-комплект для выявления ДНК генетически модифицированной сои:

ПЦР-смесь-1: смесь специфичных праймеров и флуоресцентных зондов согласно таблице, 0,4—0,6мМ дНТФ, кратность смеси 2,5х;

ПЦР-буфер: 0,3М Трис-НСl (pH 8,3 ед.рН), 30-180мМ AmSO₄, 10-25мМ MgSO₄, глицерин;

полимераза (*TaqF*): полимераза (*TaqF*) химически модифицированная для обеспечения горячего старта;

положительный контрольный образец (ПКО ГМ соя), состоящий из участков последовательности регуляторных конструкций и содержащий места посадки праймеров и флуоресцентных зондов ПЦР-смеси-1. Положительный контроль ПЦР должен давать положительный сигнал по всем используемым каналам флуоресцентной детекции;

отрицательный контрольный образец (ОКО): ТЕ-буфер для элюции ДНК. Отрицательный контроль экстракции не должен давать положительный сигнал по всем используемым каналам флуоресцентной детекции;

- «ПЦР-комплект» для выявления ДНК генетически модифицированной кукурузы:

ПЦР-смесь-1: смесь специфичных праймеров и флуоресцентных зондов согласно таблице, 0,4—0,6мМ дНТФ, кратность смеси 2,5х;

ПЦР-буфер: 0,3М Трис-НСl (pH 8,3 ед.рН), 30-180мМ AmSO₄, 10-25 мМ MgSO₄, глицерин;

полимераза (*TaqF*): полимераза (*TaqF*) химически модифицированная для обеспечения горячего старта;

положительный контрольный образец (ПКО ГМ кукуруза), состоящий из участков последовательности регуляторных конструкций и содержащий места посадки праймеров и флуоресцентных зондов ПЦР-смеси-1. Положительный контроль ПЦР должен давать положительный сигнал по всем используемым каналам флуоресцентной детекции;

* Данный комплект реагентов является рекомендуемым и приведен для удобства пользователей настоящего стандарта.

отрицательный контрольный образец (ОКО): ТЕ-буфер для элюции ДНК. Отрицательный контроль экстракции не должен давать положительный сигнал по всем используемым каналам флуоресцентной детекции».

Пункт 7.3. Заменить ссылку: ГОСТ Р 51652 на ГОСТ 5962.

Пункт 7.4. Заменить ссылку: ГОСТ Р ИСО 6497 на ГОСТ ISO 6497.

Пункт 10.1.1 изложить в редакции:

«10.1.1 Постановка ПЦР

Размораживают необходимое количество пробирок с ПЦР-смесью-1 (ГМ соя/ГМ кукуруза). Перемешивают на встряхивателе и сбрасывают капли с помощью кратковременного центрифугирования в течение 1—3 с.

Для проведения одной реакции в пробирку вносят 10 мм³ ПЦР-смеси-1, 5 мм³ ПЦР-буфера и 0,5 мм³ полимеразы (*TaqF*). Смесь перемешивают на встряхивателе, осаждая кратковременным центрифугированием, затем вносят по 15 мм³ смеси в микропробирки вместимостью 0,2 см³. Используя наконечник с аэрозольным барьером, в подготовленные пробирки добавляют по 10 мм³ ДНК испытуемых образцов, избегая попадания универсального сорбента в реакционную смесь.

Ставят контрольные реакции амплификации:

- отрицательный контрольный образец (К-) — вместо ДНК-пробы вносят в пробирку 10 мм³ ТЕ-буфера;

- положительный контрольный образец (К+) — вносят в пробирку 0,01 см³ ПКО ГМ соя/ПКО ГМ кукуруза.

Общий объем реакции — 25 мм³, объем ДНК-пробы — 10 мм³».

(ИУС № 1 2017 г.)